Na medicina e investigação, é importante termos alguma forma de reunirmos toda a informação detalhada que constitui um organismo, de forma a termos um acesso mais facilitado e direto a todos os pontos chaves pertinentes da nossa espécie de estudo. Desta forma é possível resolver diferentes problemas que pretendamos solucionar, presentes na própria espécie ou fazendo ligação com problemas que ocorrem em outros seres vivos. Com isto, surgiram os ficheiros Genbank, que representam um banco de dados de sequências genéticas do **NIH**, em há armazenamento de toda a informação pertinente para investigar um organismo.

Para obtermos o Genbank, podemos utilizar a plataforma Pubmed, que corresponde a um motor de busca da National Library of Medicine (NLM), que reúne registos da base de dados MEDLINE (principal base produzida pela NLM) e registos únicos da PubMed. Esta plataforma vai ser responsável por mostrar vários resultados para o organismo em estudo, tais como o Genbank da espécie pretendida ou artigos relacionados com a mesma. Podemos então utilizar estes ficheiros Genbank de forma a relacionar diferentes sequenciamentos de DNA, em que pode ser benéfico para reconhecer, detetar e desenvolver tratamentos para doenças genéticas ou em pesquisas que estejam presentes organismos infeciosos, em que o sequenciamento pode levar a tratamentos para doenças contagiosas.

Como tal, o nosso objetivo do trabalho vai ser criar uma base de dados relativamente ao ficheiro Genbank e ao PubMed do organismo pretendido, em que vai ser possível retirar informação pertinente de forma rápida, permitindo também responder a perguntas complexas sobre possíveis problemas em causa.

Ligação entre liquens e algas

fungos ascomicetos, algas (principalmente algas verdes e cianobactérias)